

Caractères qualitatifs (monogéniques)

Transmission héréditaire autosomale récessive

	Accouplement	Descendance
1	Non-porteur (AA) x non-porteur (AA)	100% sont non-porteurs (AA)
2	Porteur (Aa) x porteur (Aa)	25% sont non-porteurs (AA); 50% sont porteurs (Aa) 25% sont atteints (aa)
3	Non-porteur (AA) x porteur (Aa)	50% sont non-porteurs (AA) 50% sont porteurs (Aa)
4	Porteur (Aa) x atteint (aa)	50% sont porteurs (Aa) 50% sont atteints (aa)
5	Non-porteur (AA) x atteint (aa)	100% sont porteurs (Aa)
6	Atteint (aa) x atteint (aa)	100% sont atteints (aa)

Transmission héréditaire autosomale dominante

	Accouplement	Descendance
1	Sain (DD) x sain (DD)	100% sont sains
2	Sain (DD) x atteint hétérozygote (Dd)	50% sont sains (DD) 50% sont atteints hétérozygotes (Dd)
3	Sain (DD) x atteint homozygote (dd)	100% sont atteints hétérozygotes (Dd)
4	Atteint hétérozygote (Dd) x atteint hétérozygote (Dd)	50% sont atteints hétérozygotes (Dd) 25% sont atteints homozygotes (dd) 25% sont sains (DD)
5	Atteint hétérozygote (Dd) x atteint homozygote (dd)	50% sont atteints homozygotes (dd) 50% sont atteints hétérozygotes (Dd)
6	Atteint homozygote (dd) x atteint homozygote (dd)	100% sont atteints homozygotes (dd)